

数学与系统科学研究院

计算数学所学术报告

报告人: 黄健飞 博士

(*Department of Psychiatry, University of Iowa, USA*)

报告题目:

基因水平关联性分析法的自适应研究

邀请人: 唐贻发 研究员

报告时间: 2016 年 7 月 26 日 (周二)

下午 16:00-17:00

报告地点: 数学院南楼七层

702 会议室

摘要:

在报告中，我们提出了一种能利用摘要统计量的自适应基因关联性分析法。该方法采用扩展 Simes 测验把各种不同基因关联系分析法的 P-值结合成一个最优的 P-值，从而避免了根据不同的数据类型和结构来选择合适的分析法。大量的模拟表明：该方法具有正确的假阳性率，并且在不同遗传模型中的发现率是最高的。为了进一步验证该方法的有效性，我们分析了一组实际数据--“双相情感障碍”症的 Meta 分析数据；结果表明：我们的方法在所有现存的方法中是最优的。

欢迎大家参加！